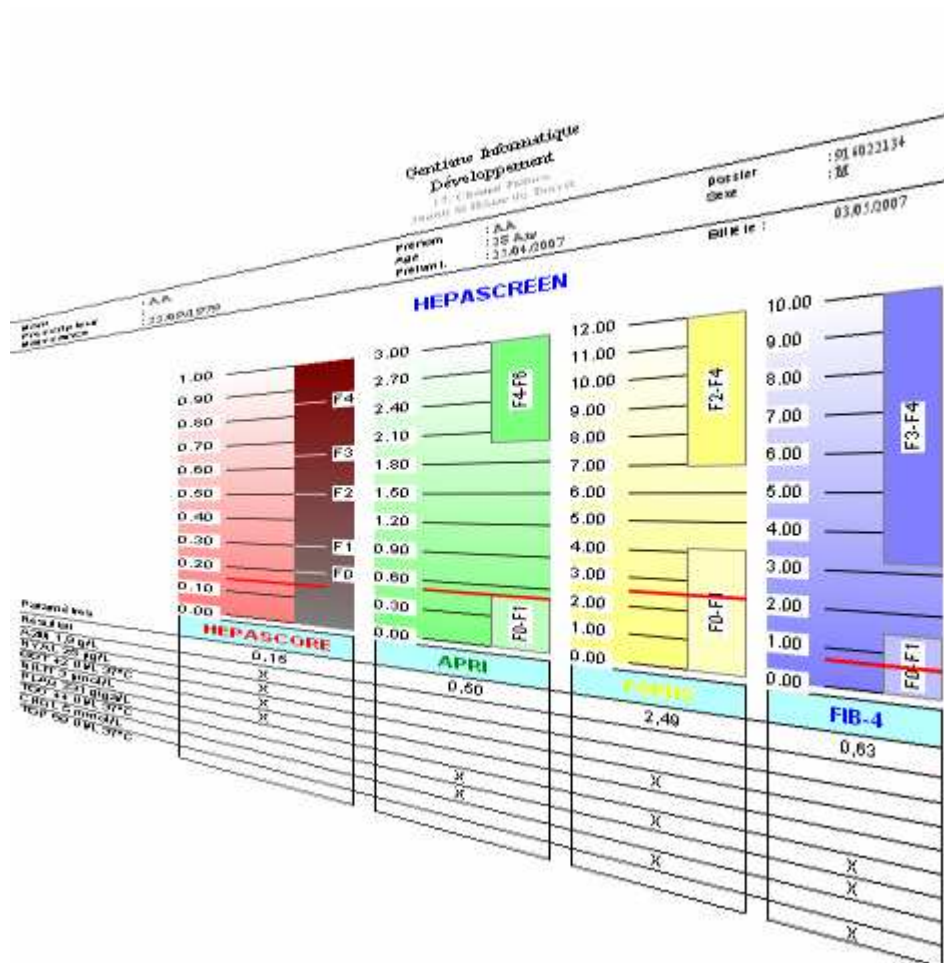


HEPATO SYSTEM

Logiciel d'aide à l'évaluation de la fibrose hépatique



Manuel d'utilisation

Gentiane Informatique S. A. R. L.
17, Chemin Prébois
38660 St Hilaire Du Touvet
Tél/Fax : 04 76 08 31 32
www.gentiane.fr

Généralités

HEPATO SYSTEM est un logiciel original permettant la représentation graphique de résultats de calcul de scores hépatiques. Il constitue une aide au diagnostic et au pronostic.

L'utilisateur dispose d'un large choix d'outils de mise en forme du tracé et des textes. Il peut ainsi mettre en évidence les éléments qui favorisent l'interprétation des résultats bruts.

Ce programme peut fonctionner sous deux modes différents :

- Le mode manuel : où les résultats sont saisis et imprimés patient par patient.
- Le mode automatique : où les résultats sont lus dans un fichier produit par une informatique.

Il conserve les patients qui ont été introduits, et permet :

- La recherche des patients par nom, date, numéro de dossier.
- La création ou la suppressions des patients.
- La gestion des prélèvements.

Il intègre la possibilité d'un paramétrage complet des calculs de scores sous forme de profils.

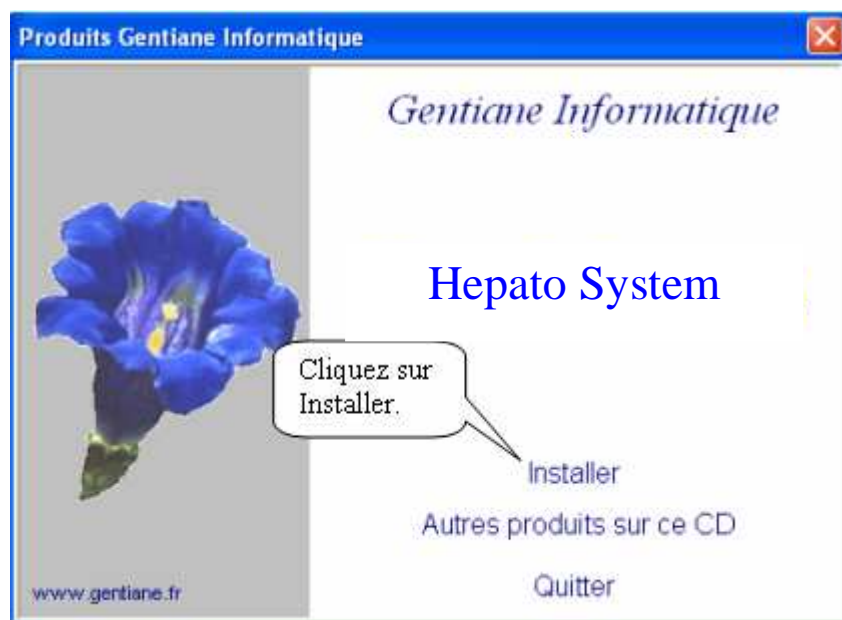
On entend par profil : une liste d'analytes constituée par l'utilisateur. Cette liste peut ne contenir qu'un seul analyte.

- Créations, suppressions, association d'analytes.
- Création de la formule de calcul associé à chaque profil.
- Création d'un système d'interprétation des scores obtenus, corrélations avec les scores METAVIR.

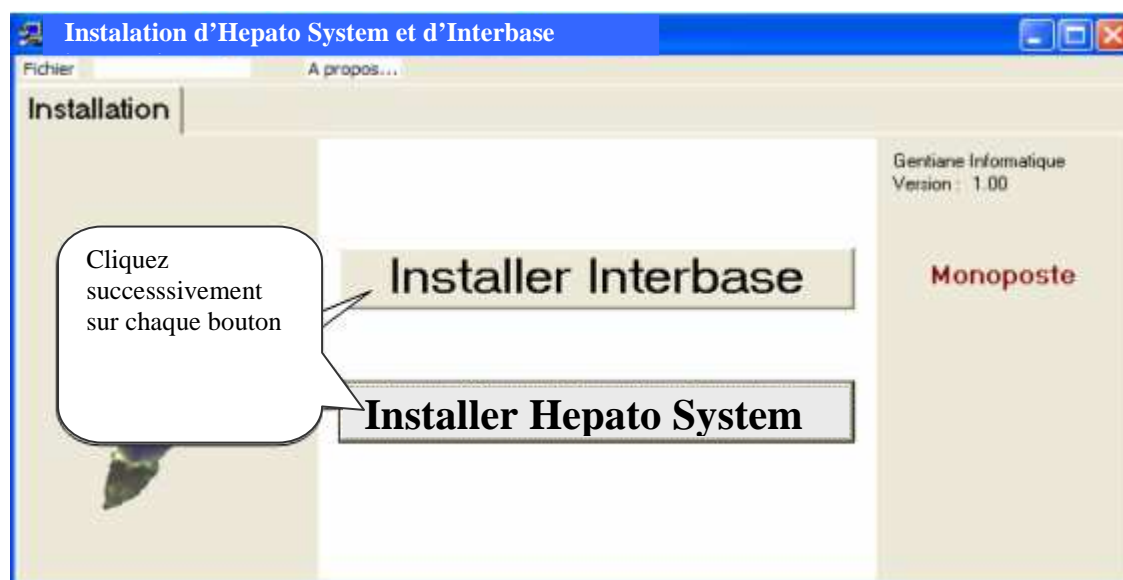
Installation

Mise en oeuvre

Insérez le CD dans le lecteur ; Cliquez sur **Installer**



Attendez l'apparition de la fenêtre ci-dessous :



Installer Interbase

En version multiposte, le logiciel pose la question : « Le PC sera-t-il serveur ? ».

Répondez : « Oui » si vous souhaitez que le PC héberge la base de données. Il devra être visible et accessible en lecture-écriture sur le réseau.

Installer Hepato System

Sur les systèmes d'exploitation anciens, le logiciel d'installation met à jour certains composants de Windows nécessaires à l'installation de programmes. Il vous proposera de relancer le PC, puis continuera l'installation normalement. Cliquez sur **Suivant** sur les fenêtres qui vous seront successivement présentées.

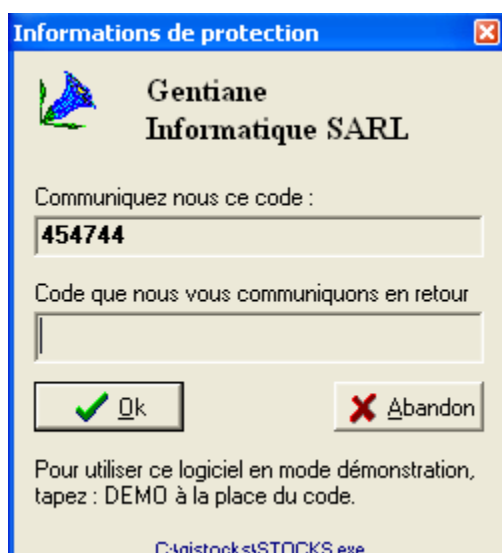


Cliquez sur **Terminer** pour achever l'installation.
Fermer le logiciel d'installation

Premier démarrage



Lancez le logiciel en cliquant sur l'icône apparue sur le Bureau ou à l'aide du menu Démarrer en faisant : Démarrer/Programmes/Hepato System/Hepato System.



Un code vous est demandé dans la fenêtre ci-contre sur chaque PC contenant le logiciel.

Pour une démonstration :

Saisissez « DEMO » puis pressez OK.

En démonstration, ce logiciel peut être utilisé sur une durée de 30 jours. Au-delà l'installation définitive s'effectue à partir du logiciel.

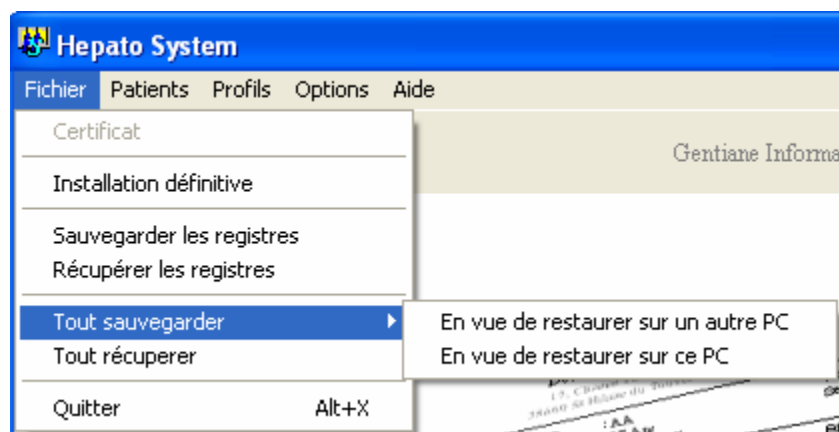
Pour une installation définitive :

Appelez-nous au 04 76 08 37 06, transmettez-nous le numéro proposé dans la fenêtre, puis saisissez le code que nous vous indiquons.

Le logiciel devient utilisable sans restriction sur le disque dur qui le porte.

La fenêtre principale

Lorsque l'utilisateur lance Hepato System à l'aide du menu Démarrer de Windows ou de l'icône figurant sur le bureau, il accède à la fenêtre suivante.



Le sous-menu Fichier

Présenté dans la fenêtre ci-dessus, il contient les éléments suivants :

Certificat : Permet à l'utilisateur d'imprimer le certificat de licence d'utilisation du logiciel. Cet élément n'est actif que si l'installation définitive du logiciel a été réalisée.

Installation définitive : Voir le chapitre **Installation/Premier démarrage**.

Sauvegarder les registres : Permet à l'utilisateur de sauvegarder son paramétrage de la présentation des graphiques (couleurs, polices de caractères, dimensions) et facultativement le code de débridage propre à l'ordinateur.

Entrez l'emplacement vers lequel vous souhaitez enregistrer la sauvegarde. Indiquez ensuite par oui ou par non si vous souhaitez y inclure la clé de débridage.

Récupérer les registres : Restaure les données sauvegardées à l'aide de **Sauvegarder les Registres**. Indiquez au logiciel l'emplacement où a été sauvegardé le fichier.

Tout sauvegarder : Cette option rassemble toutes les opérations de sauvegarde :

- La sauvegarde des patients (Voir : **Sauvegarde des patients**)
- La sauvegarde des profils (Voir : **Exporter le fichier de profils**)
- La sauvegarde de la présentations des graphiques (Voir : **Sauvegarde des registres**).

Selon que vous aurez choisi : **En vue de restaurer sur ce PC** ou non, le logiciel sauvegardera ou non la clé de débridage. Indiquez au logiciel de répertoire dans lequel devra être déposée la sauvegarde.

Tout récupérer : Restaure les éléments sauvegardés avec : **Tout sauvegarder**. Indiquer au logiciel où a été déposée la sauvegarde.

Quitter : Ferme l'application.

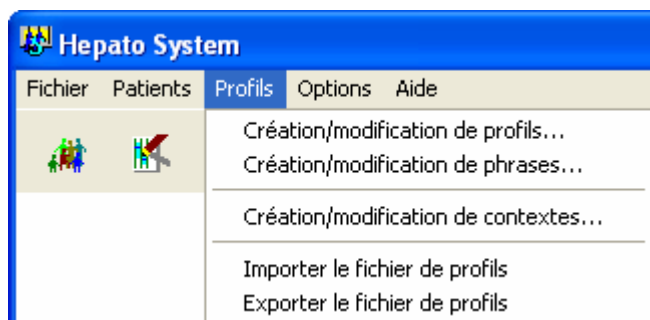
Le sous-menu Patients



Travail : Accède à la fenêtre **Liste des patients**. A partir de celle ci, l'utilisateur peut créer, modifier ou supprimer des patients.

Gestion de la liste : Accède à la fenêtre **Gestion de la liste des patients**. A partir de celle-ci, l'utilisateur peut réaliser les opérations d'archivage, de suppression ou de restauration des patients, soit ponctuellement (sauvegarde en vue d'une transmission à un autre utilisateur), soit par programmation (sauvegarde régulière de sécurité).

Le sous-menu Profils



Création/modification de profils : Ouvre la fenêtre : **Gestion des profils**. L'utilisateur peut y définir ses analytes et les associer (en profils).

Création/modification de phrases : Ouvre la fenêtre : **Gestion des commentaires**. L'utilisateur peut y créer des phrases qu'il pourra ensuite utiliser pour commenter ses profils.

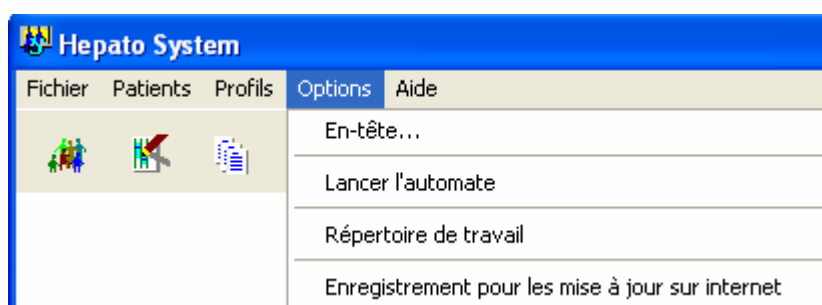
Création/modification de contextes : Ouvre la fenêtre : **Création/modification de contextes**. L'utilisateur y définit

des contextes physio-pathologiques auxquels sont associés des commentaires standard. Ceux-ci seront proposé par le logiciel pour les patients qui correspondront à un contexte.

Importer le fichier de profils : Restaure le paramétrage des profils sauvegardé avec l'option : **Exporter le fichier de profils**.

Exporter le fichier de profils : Permet de sauvegarder vos données concernant les analytes. Indiquez au logiciel l'emplacement vers lequel sera réalisée la sauvegarde.

Le sous-menu Options



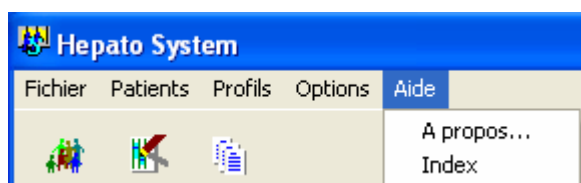
En-tête : Ouvre la fenêtre : **Gestion de l'en-tête** où l'utilisateur définit les coordonnées du laboratoire. Ces données seront reprises dans l'en-tête du document graphique émis.

Lancer l'automate : Ouvre **l'Automate d'incorporation des patients**. Cette application annexe assure l'acquisition des données des patients à partir de fichiers produits par une informatique tierce.

Répertoire de travail : permet à l'utilisateur de définir le répertoire contenant les données sur un autre poste lors d'un travail sur plusieurs poste en réseau.

Enregistrement pour les mises à jour sur internet : Cette option du menu vise à nous communiquer votre adresse mail. Celle-ci nous servira à vous habilitier à recevoir automatiquement les mises à jour à partir d'internet.


Le sous-menu Aide





A propos : Ouvre une fenêtre d'information sur Hepato System.


Index : Active l'aide en ligne du logiciel.


Les boutons

 Lance une application qui nous permet de prendre le contrôle à distance de votre poste si une connexion internet est établie.


 Identique au menu : **Option/Lancer l'automate**. Voir le chapitre : **Utilisation en mode connecté**.

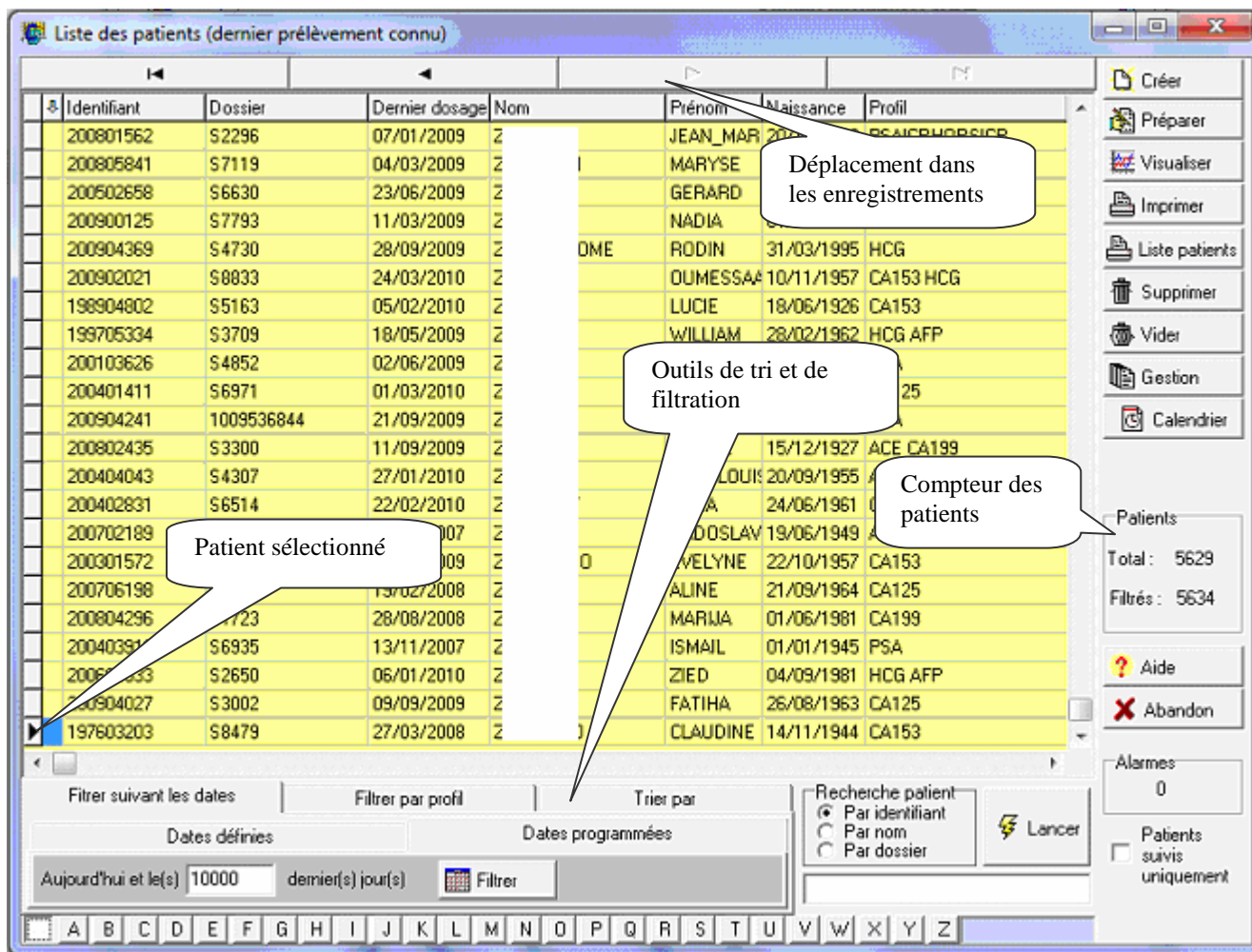
 Ouvre la fenêtre : **Liste des patients**.

 Ouvre la fenêtre : **Gestion des contextes**.

 Ouvre la fenêtre : **Gestion des profils**.

Fenêtre Liste des patients

 Vous accédez à cette fenêtre à partir de la fenêtre principale en faisant dans le menu : **Patients/Travail** ou en cliquant sur le bouton ci-contre.



The screenshot shows the 'Liste des patients (dernier prélèvement connu)' window. The table contains the following data:

Identifiant	Dossier	Dernier dosage	Nom	Prénom	Naissance	Profil
200801562	S2296	07/01/2009	Z	JEAN_MAR	20	PSA/PHOSPHOR
200805841	S7119	04/03/2009	Z	MARYSE		
200502658	S6630	23/06/2009	Z	GERARD		
200900125	S7793	11/03/2009	Z	NADIA		
200904369	S4730	28/09/2009	Z	OME RODIN	31/03/1995	HCG
200902021	S8833	24/03/2010	Z	DUMESSA	10/11/1957	CA153 HCG
198904802	S5163	05/02/2010	Z	LUCIE	18/06/1926	CA153
199705334	S3709	18/05/2009	Z	WILLIAM	28/02/1962	HCG AFP
200103626	S4852	02/06/2009	Z			25
200401411	S6971	01/03/2010	Z			
200904241	1009536844	21/09/2009	Z			
200802435	S3300	11/09/2009	Z		15/12/1927	ACE CA199
200404043	S4307	27/01/2010	Z	LOUIS	20/09/1955	
200402831	S6514	22/02/2010	Z	A	24/06/1961	
200702189	007	07	Z	DOSLAV	19/06/1949	
200301572	009	09	Z	VELYNE	22/10/1957	CA153
200706198		19/02/2008	Z	ALINE	21/09/1964	CA125
200804296	723	28/08/2008	Z	MARIJA	01/06/1981	CA199
20040391	S6935	13/11/2007	Z	ISMAIL	01/01/1945	PSA
200801533	S2650	06/01/2010	Z	ZIED	04/09/1981	HCG AFP
200904027	S3002	09/09/2009	Z	FATIHA	26/08/1963	CA125
197603203	S8479	27/03/2008	Z	CLAUDINE	14/11/1944	CA153

Callouts in the image:

- Déplacement dans les enregistrements**: Points to the navigation arrows at the top of the table.
- Outils de tri et de filtration**: Points to the filter and sort controls at the bottom of the window.
- Compteur des patients**: Points to the 'Total: 5629' and 'Filtrés: 5634' statistics on the right sidebar.
- Patient sélectionné**: Points to the selected row (197603203).

Celle-ci présente le dernier prélèvement des patients. Cette liste varie selon les critères de filtration sélectionnés par l'utilisateur : filtration par dates et/ou par profil.

Les informations figurées sont :

- l'identifiant unique du patient
- ses nom , prénom, date de naissance
- la date du dernier prélèvement
- le profil réalisé
- le nom de jeune fille.

Les boutons

Les boutons **représentant des flèches** servent à se déplacer dans la liste des patients.

Ils permettent d'accéder (de gauche à droite respectivement) :

- au premier enregistrement
- à l'enregistrement suivant
- à l'enregistrement précédent
- au dernier enregistrement.

Le bouton **Créer** présente une fenêtre de **Saisie des données patient** vierge. L'utilisateur y entrera les données nécessaires à la création d'un nouveau patient.

Le bouton **Modifier** présente une fenêtre de **Saisie des données patient** contenant les données du patient sélectionné.

Le bouton **Visualiser** affiche le document qui sera produit par le programme.

Le bouton **Imprimer** lance l'impression du patient sélectionné.

Le bouton **Supprimer** propose de supprimer le patient sélectionné.

Le bouton **Vider** propose de vider toute la liste des patients.

Le bouton **Gestion** ouvre la fenêtre : **Gestion de la liste des patients**.

Le bouton **Aide** active l'aide contextuelle. Cliquez sur un organe de la fenêtre pour accéder à l'aide à son sujet.

Le bouton **Abandon** ferme la fenêtre.

Les onglets

Recherche de patient : permet de retrouver un patient. Selon le critère de recherche choisi, entrez : l'identifiant unique, le nom, le numéro de prélèvement (n° de dossier du jour). Pressez le bouton **Lancer**. Si un patient correspond au critère de recherche, la fenêtre de **Préparation du graphique** s'ouvre et contient les données du patient trouvé.

Filtrer suivant les dates/Dates définies : filtre les patients en fonction de la date de prélèvement. Entrez les bornes chronologiques de votre choix puis pressez le bouton : **Filtrer**.

Filtrer suivant les dates/Dates programmées : filtre les patients en fonction de la date de prélèvement. Entrez le nombre de jours qui précèdent aujourd'hui puis pressez le bouton : **Filtrer**.

Dates programmées et **Dates définies** s'excluent mutuellement.

Filtrer par profil/Profils sélectionnés : filtre les patients en fonction du profil qui leur a été fait. Cliquez sur **Sélectionner**, cochez les profils dont vous souhaitez voir les patients, cliquez sur Ok.

Filtrer par profil/Profil(s) choisi(s) : filtre les patients en fonction du profil qui leur a été fait. Sélectionnez l'un des profils de la liste pour activer ce filtre ou sélectionnez Tous pour le désactiver.

Profils sélectionnés et **Profil(s) choisi(s)** s'excluent mutuellement.

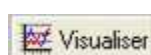
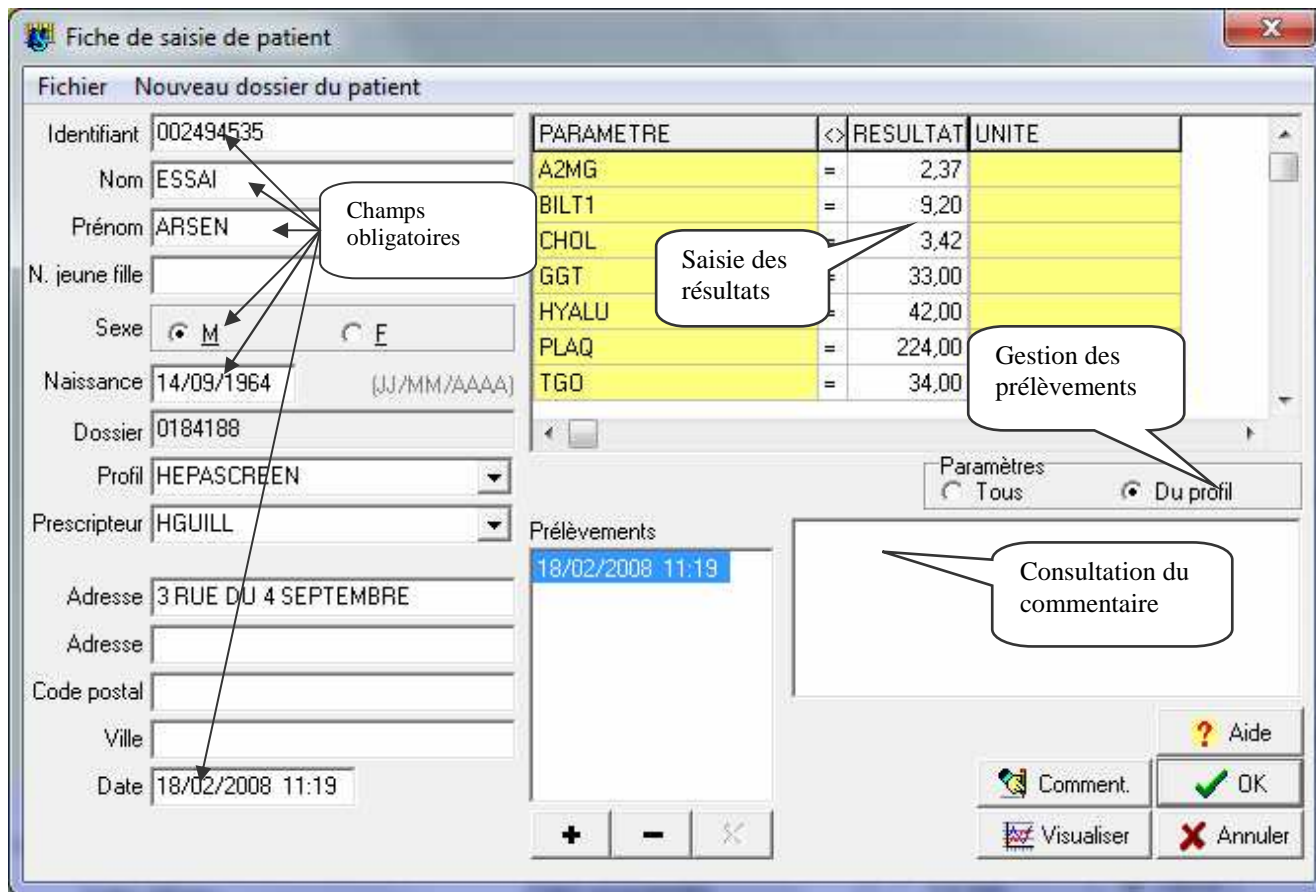
Trier par : ordonne la liste des patients en fonction du critère choisi. Sélectionner un critère, cocher éventuellement **Ordre décroissant** puis cliquer sur **Trier**.

Les clicks

Sur la grille vous pouvez cliquer sur le titre d'une colonne que vous souhaitez trier.

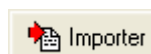
Fenêtre de saisie des données patient

Cette fenêtre est accessible à partir de la fenêtre : **Liste des patients** en pressant le bouton **Créer** pour créer un nouveau patient ou **Modifier** pour traiter le patient sélectionné.
Elle est destinée à la saisie ou à l'édition de toutes les données du patient.

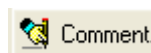


Le bouton ci-contre ouvre la fenêtre : Aperçu du profil qui présente le document définitif. Ce dernier pourra être édité et transmis.

Pour identifier le patient, entrez obligatoirement : l'**Identifiant** unique, le **Nom**, le **Prénom**, la date de naissance, le **Sexe**. Sélectionnez un profil pour indiquer au logiciel les analytes à présenter.
Facultativement, entrez le **Nom de jeune fille**, choisissez le **Biologiste** responsable dans la liste proposée (Cette liste a été constituée dans la fenêtre : En-tête du laboratoire).



Le bouton ci-contre permet d'importer sélectivement les antécédents de ce patient à partir de la base de donnée issue de la **Sauvegarde programmée** (voir plus bas : Gestion de la liste des patient).



Le bouton ci-contre donne accès à l'édition du commentaire.

Fenêtre Aperçu du profil

Cette fenêtre permet de visualiser et de faire une dernière mise au point du graphique avant de le transmettre. Elle est accessible à partir de la fenêtre **Saisie des données patient** ou à partir de la fenêtre **Liste des patients** en pressant le bouton **Visualiser**.

Aperçu du profil

Fichier Vue Antériorités Commentaires

Laboratoire de Biochimie
Clinique de BARRAU
09000-58 Jean de VERGES

Nom : GENEVIEVE
Prénoms : GENEVIEVE
Dossier : 0108193
Prescriptions : 0940
Age : 45 Ans
Sexe : F
Naissance : 08/01/2007
Médicaments : 0021151798
Bilan le : 03/07/2008

Transmission : Impression fichier graphique, courriel

Rectangle des informations patient

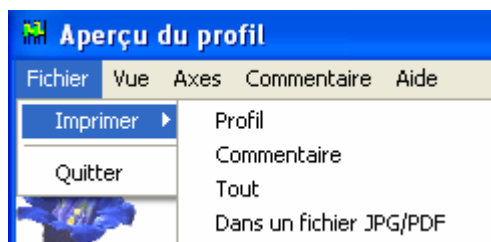
Emplacement de hauteur réglable réservé au commentaire

Commentaire personnalisable

Paramètres	HEPACORE	APRI	ALBUM	FIB-4
Profil	0,04	0,27	3,85	0,80
ALB: 1,38 g/L	X			
APRI: 15 g/L	X			
GGT: 34 U/L 37°C	X		X	
PLT: 56 mm/L	X			
PLQ: 219 g/L		X	X	X
TGO: 19 U/L 37°C		X		X
DFDL: 8 mm/L			X	
TGF: 27 U/L 37°C				X

Les choix de présentation fait par l'utilisateur, seront chaque fois que c'est possible, appliquées à tous les patients ayant le même profil.

Le sous-menu Fichier



Imprimer :

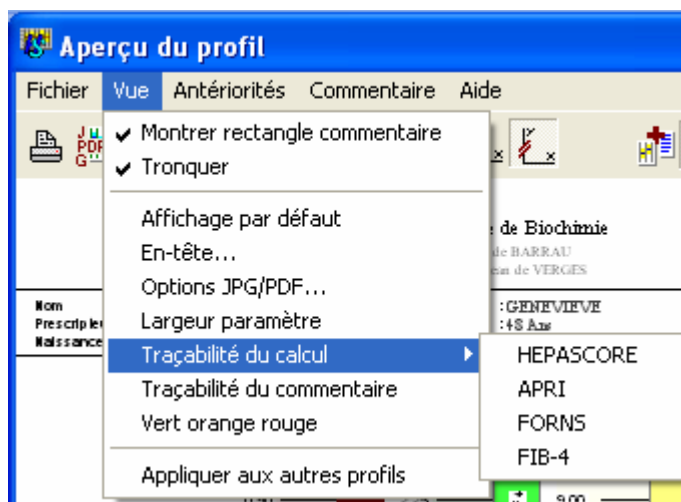
Profil : Imprime le graphique avec éventuellement le commentaire s'il est visible, comme présenté ci-dessus.

Commentaire : Imprime le commentaire seul sur une feuille à part.

Tout : Imprime le graphique et le commentaire sur une feuille à part (dans ce cas il vaudra mieux masquer le commentaire au bas du graphique).

Dans un fichier JPG/PDF : Produit un fichier graphique au format JPG ou PDF. (Voir plus bas : **Fenêtre Options JPG/PDF**).

Le sous menu Vue



Montrer rectangle commentaire : rend visible le commentaire au bas du graphique.

Tronquer : Lorsque cette coche est mise, et qu'un résultat de score est supérieur au maximum, son trait sera figuré au maximum et affiché en pointillés.

Affichage par défaut : Réattribution au profil des couleurs et polices initiales.

En tête : ouvre la fenêtre **En-tête du laboratoire** en vue de la modifier.

Options JPG/PDF : ouvre la fenêtre **Options JPG/PDF** où l'utilisateur définit les caractéristiques du fichier JPG à produire (Voir plus bas : **Fenêtre Options JPG/PDF**).

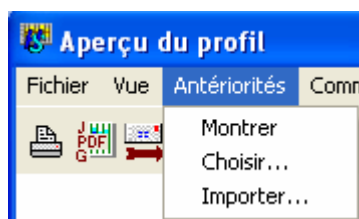
Largeur paramètre : permet à l'utilisateur de régler la largeur de la colonne réservée à chaque paramètre.

Traçabilité du calcul et du commentaire: Affiche des informations sur l'origine de ces éléments.

Vert orange rouge : Caractère de coloration des colonnes.

Appliquer aux autres profils : répercute les modifications de présentation aux autres profils lorsque c'est possible.

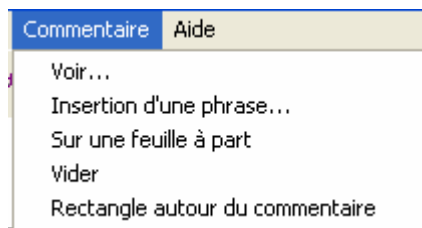
Le sous-menu Antériorités



L'utilisateur peut choisir de faire figurer l'antériorité de chaque score matérialisé par un trait d'une autre couleur.

Il peut choisir l'antériorité qu'il veut montrer, il peut importer d'autres antériorités à partir de la base de données constituée par la **Sauvegarde programmée** (voir plus bas : Gestion de la liste des patients).

Le sous-menu commentaire



Voir : ouvre la fenêtre **:Editeur** qui constitue un éditeur de textes.

Insertion d'une phrase : ouvre la fenêtre **:Phrases pré enregistrées** où l'utilisateur peut sélectionner une phrase à insérer dans le commentaire (sous le graphique) à la position du curseur de texte.

Sur une feuille à part : mémorise que les impressions se feront en deux parties : le graphique et le commentaire. Si on utilise cette option, il vaut mieux masquer la partie du commentaire qui apparaît au bas du graphique.

Vider : efface le contenu du commentaire.

Rectangle autour du commentaire : cerne le commentaire d'un rectangle.

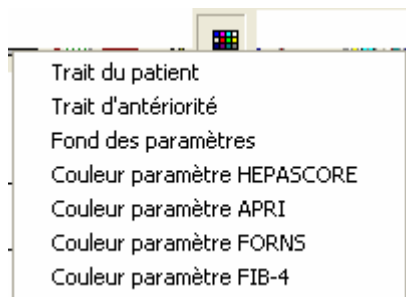
Le sous-menu aide

Ouvre l'aide contextuelle.

Les boutons



Un clic sur le bouton des couleurs donne la possibilité de modifier la couleur du nuage des valeurs normales, ou celle de chacun des analytes.

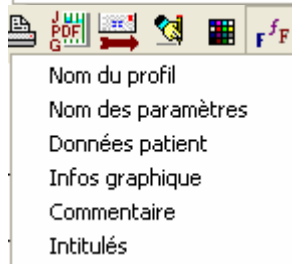


Un clic sur le bouton des polices ouvre le menu ci-contre. L'utilisateur choisit l'élément texte dont il veut modifier la couleur :


Trait du patient ou de son antériorité,


Fond des paramètres : la légende,

Couleur de chaque score.



Un clic sur le bouton des polices ouvre le menu ci-contre. L'utilisateur choisit l'élément texte dont il veut modifier la police

 Paire de bouton permettant de n'imprimer que le profil (avec le commentaire au bas s'il est visible), ou d'imprimer le commentaire sur une seconde feuille à part.

 Paire de bouton permettant de masquer ou d'afficher le nuage des normales.

Les clics

Cliquez sur chacune des lignes de l'en-tête pour pouvoir en modifier la police.

Cliquez sur le logo du laboratoire pour ouvrir la fenêtre de modification de l'en-tête.

Cliquez sur le mot : Nom pour modifier la police des intitulés des données démographiques.

Cliquez sur le nom du patient pour modifier la police des données démographiques.

Cliquez sur le nom du profil pour modifier sa police.

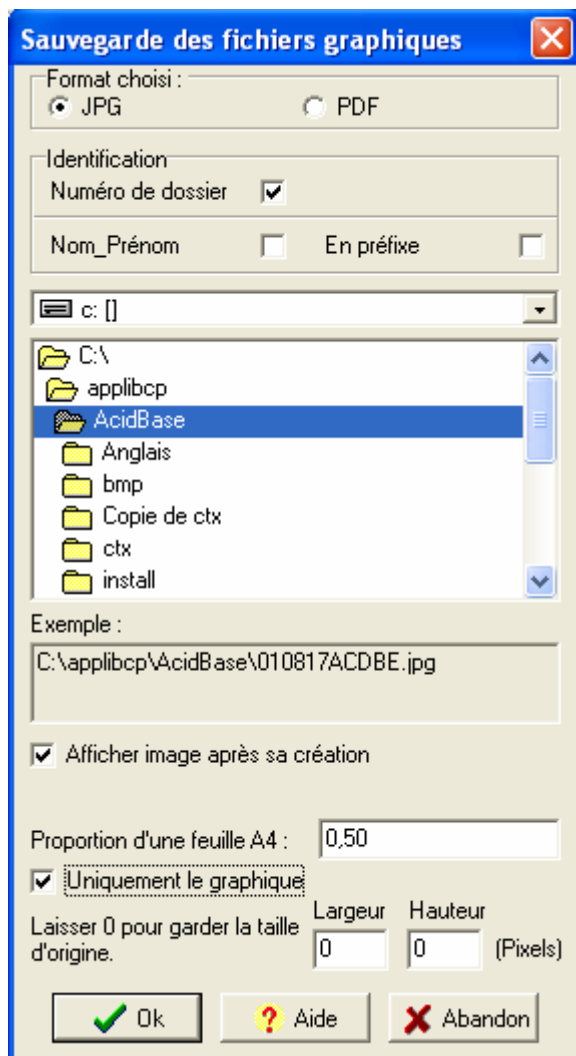
Clic droit sur le commentaire pour insérer une phrase ou modifier la police.

Clic droit sur chaque colonne de score pour faire apparaître le menu ci-contre. Vous pouvez y modifier la **Couleur** de la colonne, faire apparaître une **Cinétique** de toutes les antériorités, et dans ce cas choisir la **Forme des points** de la courbe de chaque score.

Il est possible de déterminer le nombre de **Décimales** affichées pour la précision du score.

Couleur
Cinétique
Décimales

Fenêtre Options JPG/PDF



Cette fenêtre permet de fixer la manière dont le logiciel va nommer les fichiers graphiques qu'il est susceptible de produire à la demande de l'utilisateur.

Le nom du fichier peut contenir le nom et prénom du patient et/ou le numéro de dossier. Cochez les éléments que vous souhaitez voir figurer dans le nom du fichier.

Le répertoire du fichier doit être choisi.

Un exemple du nom complet est présenté par le logiciel.

On peut aussi définir la taille du graphique sauvegardé, relativement à celle d'une feuille A4.

Le logiciel peut produire des fichiers au format PDF ou JPG. Dans le cas de fichiers PDF, le suffixe : '-Graphe' est ajouté au nom du fichier.

Si le commentaire est imprimé sur une feuille à part, un fichier RTF est créé avec le fichier JPG.

Dans le cas de fichiers PDF, le suffixe : '-Commentaire' est ajouté au nom du fichier PDF de commentaire..


Dans le cas de fichiers PDF, une coche supplémentaire permet d'opter pour la production d'un fichier unique résultat de la fusion des deux précédents, plus éventuellement, le fichier récapitulatif. Le fichier ainsi produit ne possède pas de suffixe.

Dans le cas de fichiers JPG, une coche supplémentaire permet de choisir de ne reproduire que la partie graphique.

La fenêtre Editeur

Cette fenêtre est accessible à partir de :

- la fenêtre de préparation du graphique en pressant le bouton : **Commentaire**.

- la fenêtre aperçu du profil par le menu : Commentaire/Voir ou en cliquant sur le bouton : 

Elle propose un éditeur de texte simple permettant de modifier le commentaire.

La fenêtre Gestion de la liste des patients

Cette fenêtre est accessible à partir du menu de la fenêtre principale en faisant : **Patients/Gestion de la liste**, ou à partir de la fenêtre liste des patients en pressant le bouton : **Gestion**.

Elle offre la possibilité d'effectuer des sauvegardes, des suppressions ou des récupérations de patients.

Le bouton : **Utilisation des sauvegardes** permet de consulter le contenu de cette base de données de sauvegarde.

Opérations ponctuelles

Pour chacune des opération possibles voici la démarche à respecter, et les effets attendus.

Opération	Par date	Tous les patients	Avec effacement des patients sauvegardés
1 Sauvegarde	X		X
2 Sauvegarde	X		
3 Sauvegarde		X	X
4 Sauvegarde		X	
5 Récupération	X		
6 Récupération		X	
7 Suppression	X		
8 Suppression		X	

1. Sélectionnez les dates dans les champs qui apparaissent. Cliquez sur lancer et sélectionner le chemin de destination dans la fenêtre proposée. Les patients sélectionnés disparaissent de la liste, et sont copiés dans le fichier destinataire. Si celui-ci existe, il n'est pas supprimé, mais complété des patients sauvegardés.
2. Sélectionnez les dates dans les champs qui apparaissent. Cliquez sur lancer et sélectionner le chemin de destination dans la fenêtre proposée. Les patients sélectionnés sont copiés dans le fichier destinataire et restent dans la liste. Si celui-ci existe, il n'est pas supprimé, mais complété des patients sauvegardés.
3. Cliquez sur lancer. Vous devez sélectionner le chemin de destination dans la fenêtre proposée. Confirmez la suppression. Les patients disparaissent de la liste et sont copiés dans le fichier destinataire. Si celui-ci existe, **il est remplacé**.
4. Cliquez sur lancer. Vous devez sélectionner le chemin de destination dans la fenêtre proposée. Les patients sont copiés dans le fichier destinataire et restent dans la liste. Si celui-ci existe, **il est remplacé**.
5. Sélectionnez les dates dans les champs qui apparaissent. Cliquez sur lancer. Sélectionner le chemin de d'origine dans la fenêtre proposée. Les patients sélectionnés sont ajoutés à la liste.
6. Cliquez sur lancer. Vous devez sélectionner le chemin de d'origine dans la fenêtre proposée. Les patients qui existaient dans la liste sont supprimés. Ceux qui sont récupérés, sont ajoutés à la liste.
7. Sélectionnez les dates dans les champs qui apparaissent. Cliquez sur lancer. Confirmez la suppression Les patients sélectionnés disparaissent de la liste.
8. Cliquez sur lancer. Confirmez la suppression. Tous les patients disparaissent de la liste.

Opérations programmées

La programmation de la sauvegarde sert à créer une seconde base de données des patients en vue d'accroître la sécurité des données et d'alléger la base de donnée courante des patients ou des prélèvements qui ne seraient plus pertinents.

Celles-ci seront effectuées à chaque changement de date.

Opération	Suppression	Sauvegarde	Nombre de jours
1	X	X	n
2	X		n
3		X	n

Lorsque vous pressez le bouton : **Enregistrer**, le logiciel mémorise la disposition des coches ci-dessus, et effectue le premier traitement.

Indiquez après combien de jours depuis leur création, les patients doivent être traités. Si ce nombre de jours est zéro, le traitement n'est pas fait.

1. Indiquez le chemin du fichier destinataire (une fois pour toutes). Il restera affiché dans le champ : **Chemin de sauvegarde**. Si le fichier destinataire existe, le logiciel vous propose de le supprimer. Lors des traitements suivants, les patients lui sont ajoutés. Les patients ayant n jours d'ancienneté disparaissent de la liste.
2. Les patients ayant n jours d'ancienneté disparaissent de la liste.
3. Indiquez le chemin du fichier destinataire (une fois pour toutes). Si le fichier destinataire existe, le Logiciel vous propose de le supprimer. Lors des traitements suivants, les patients lui sont ajoutés.

Sauvegarde en l'état de la base de données

Ce type de sauvegarde est une véritable sauvegarde qui utilise les services du système de gestion de bases de données Interbase. Il crée un fichier au format .gbk qui est une copie de la base de données courante.

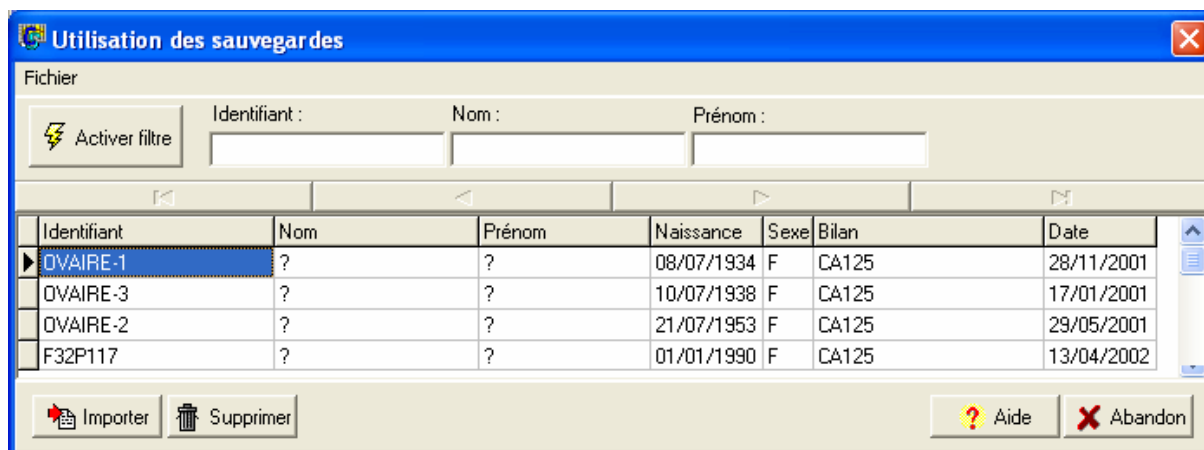
Le logiciel effectuera cette sauvegarde à chaque changement de date.

La base de donnée pourra être restaurée à l'aide du bouton **Restaurer**.

Fenêtre Utilisation des sauvegardes

Cette fenêtre est accessible à partir de la fenêtre **Gestion de la liste des patients** en cliquant sur le bouton : **Utilisation de la sauvegarde**. Elle permet l'exploitation des sauvegardes.

Si dans la fenêtre **Gestion de la liste des patients**, aucune sauvegarde n'a été programmée, le logiciel ouvre une boîte de dialogue où vous devrez sélectionner le chemin de la sauvegarde à exploiter.



Dans le cas contraire la sauvegarde programmée est ouverte par défaut. Vous pouvez choisir une autre sauvegarde en faisant : **Fichier/Ouvrir** et choisir un autre emplacement. L'ensemble des patients sauvegardés est présenté. Vous pouvez

sélectionner certains patients par « filtration » en renseignant tout ou partie des champs : Identifiant, Nom et Prénom puis en pressant **Activer filtre**.

Le bouton **Importer** va réintégrer dans la base de données principale le(s) patient(s) sélectionné(s).

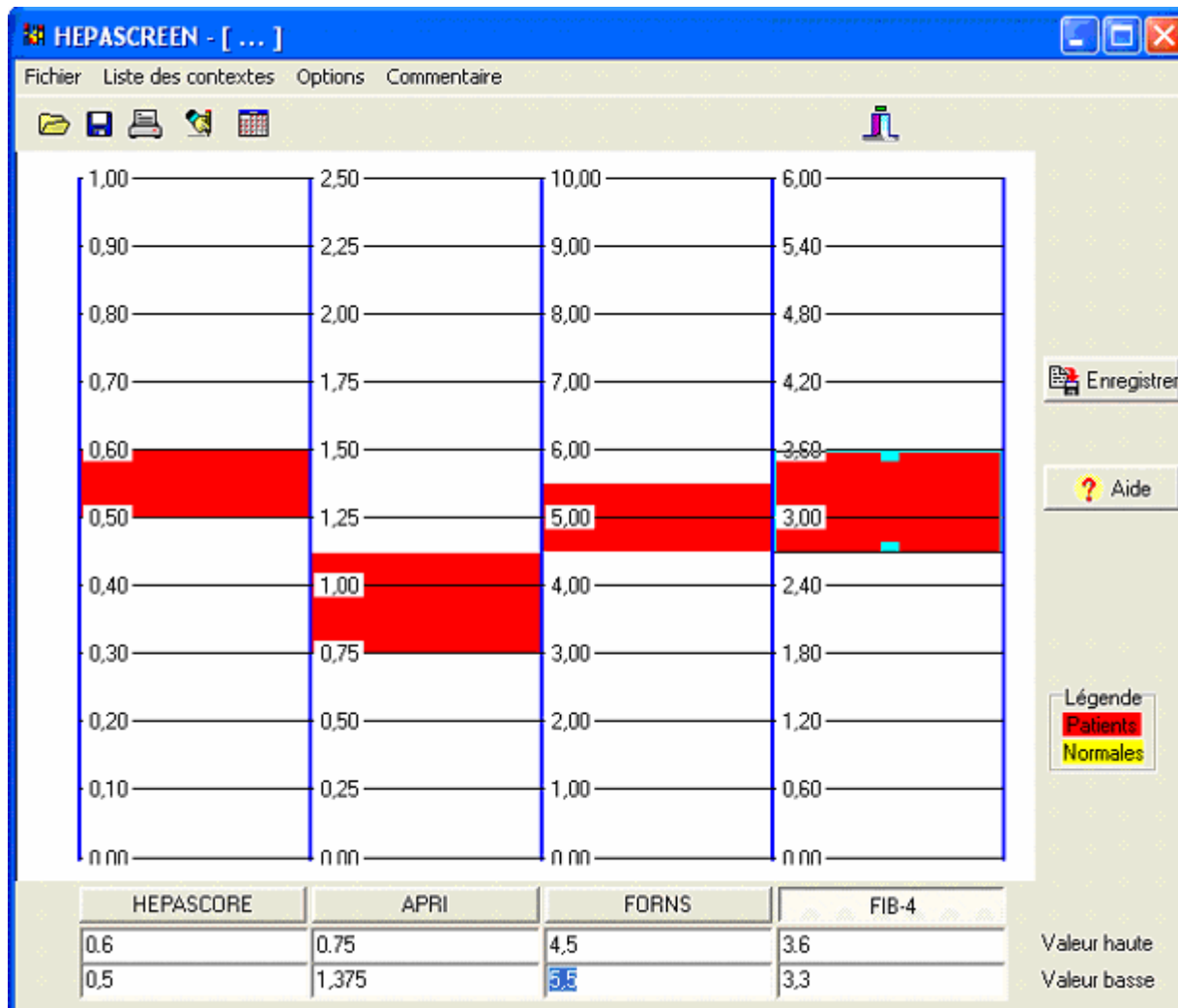
Le bouton **Supprimer** ôte définitivement de cette base le(s) patient(s) sélectionné(s).

Un clic droit sur la grille permet de **Sélectionner tout** ou de **Désélectionner tout** de la liste.

Fenêtre de gestion des contextes



Accédez à la fenêtre des contextes à partir de la fenêtre principale à partir du menu en faisant : **Profil/Création/Modification de contextes**. Vous pouvez aussi cliquer sur le bouton ci-contre.



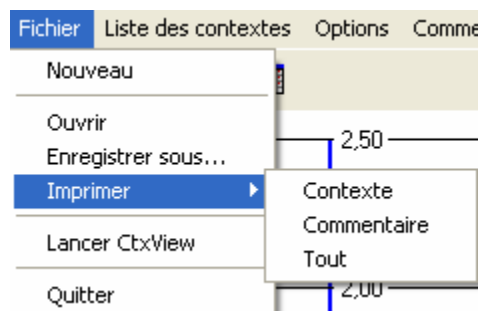
Vous devrez choisir le profil pour lequel vous souhaitez modifier les contextes.

Cette fenêtre sert à définir des contextes, c'est à dire des résultats de scores compris entre des limites (haute et basse) fixées par l'utilisateur. Les rectangles rouges ci-dessus matérialisent ces limites. Vous pourrez associer à chaque contexte un commentaire. Ce commentaire sera proposé par le logiciel à chaque fois qu'il rencontrera un patient dont les résultats de score correspondent au contexte.


Les champs : Valeur haute et Valeur basse

Permettent la saisie des valeurs limite de chaque score. Ces valeurs définissent le contexte.


Le menu, les boutons




Nouveau : pour créer un nouveau contexte.


Ouvrir et le bouton :  pour afficher et modifier un contexte existant.

Enregistrer sous et les boutons :  et  Enregistrer pour sauvegarder le contexte en précisant son nom.

Lancer CtxView et le bouton :  démarrent une application annexe qui présente les contextes sous la forme d'un tableau. Cette présentation peut faciliter l'édition des contextes si ceux-ci deviennent nombreux.

Liste des contexte : accès à la gestion de cette liste.

Lorsque l'on coche **Option/Imprimer contexte+commentaire**, le couple contexte et son commentaire sont imprimés si l'on clique sur le bouton : .

Commentaire/Contexte en cours ou le bouton :  ouvrent l'éditeur de texte pour créer ou modifier le commentaire associé au contexte en cours.

Commentaire/Systematique : Permet de créer un commentaire qui sera proposé pour chaque patient, quelque soit ses résultats de score.

Fenêtre de gestion des profils



Cette fenêtre est accessible à partir de la fenêtre principale en faisant : **Profils/Création Modification de profils**.

Cette fenêtre est utilisée pour gérer ces profils.

On entend par profil : une liste d'analytes constituée par l'utilisateur. Leur association vise à apporter une plus value au diagnostic. Cette liste peut ne contenir qu'un seul analyte.

Pour valider les saisies sur cette fenêtre ou sur les fenêtres auxquelles elle donne accès, pressez le bouton **Ok**.

Pressez le bouton **Abandon** si vous renoncez à enregistrer les saisies.

Le bouton **Normales** ouvre la fenêtre : **Création des normales** où vous pouvez saisir les valeurs physiologiques des analytes du profil sélectionné.

Création d'un profil

Entrez dans le champ **Profil** le nom du profil à créer. Si ce nom n'existe pas encore dans la liste, le bouton **Créer** devient actif. Cliquez dessus pour ouvrir la fenêtre : **Création/Modification de profil**.

Modification d'un profil

Sélectionnez dans la liste le profil à modifier puis pressez le bouton : **Modifier**. La fenêtre **Création/Modification de profil** s'ouvre alors pour vous permettre de faire les modifications.

Suppression d'un profil

Sélectionnez dans la liste le profil à supprimer puis pressez le bouton **Supprimer**.

Remarque :

Nous vous recommandons de créer un profil appelé **MATRICE** contenant l'ensemble des analytes. Le logiciel effectue un traitement particulier de ce profil : Lorsque vous y modifiez un analyte, cette modification est répercutée dans tous les profils contenant cet analyte.

Fenêtre Création /Modification de profil

Cette fenêtre est accessible à partir de la fenêtre : **Gestion des profils**, lorsque l'on presse le bouton **Créer** ou le bouton **Modifier**.

Elle propose tous les éléments nécessaires au paramétrage des profils.

Pour valider les saisies sur cette fenêtre ou sur les fenêtres auxquelles elle donne accès, pressez le bouton **Ok**.

Pressez le bouton **Abandon** si vous renoncez à enregistrer les saisies.

Vous pouvez **modifier le nom du profil** dans le champ du haut.

Vous pouvez **créer un nouvel analyte** en saisissant son nom dans le champ : **Paramètre** puis en pressant le bouton **Créer** qui devient actif. Pressez le pour voir le nouvel analyte ajouté à la liste. Un analyte ainsi créé doit posséder la définition de tranches d'âge pour recevoir les valeurs physiologiques de chacune de ces tranches d'âge. Pressez le bouton **Ages** pour les créer dans la fenêtre : **Définition des tranches d'âge**.

Pressez le bouton **Normales** pour éditer le tableau des valeurs physiologiques en fonction de l'âge et du sexe dans la fenêtre : **Création des normales**.

Vous pouvez **copier un analyte s'il figure déjà dans un autre profil**. Pressez pour cela le bouton **Copier**, sélectionnez le profil qui contient l'analyte à copier, faites **Ok**, sélectionnez dans la liste des paramètres le(s) analyte(s) à copier, faites **Ok**. Le ou les analytes choisis sont ajoutés à la liste.

Vous pouvez **renommer un analyte**. Sélectionner l'analyte à renommer, presser le bouton **Renommer**, entrer la nouvelle orthographe, pressez **Ok**.

Vous pouvez **supprimer un analyte**. Sélectionner l'analyte à supprimer, presser le bouton **Supprimer**.

Vous pouvez **déplacer un analyte dans la liste**. Sélectionnez l'analyte à déplacer, pressez le bouton : **Déplacer**, entrez le numéro de la nouvelle position.

Il est possible de créer un profil comportant des paramètres calculés.

Pour que des paramètres entrés apparaissent dans la liste des paramètres calculés suivez la procédure suivante :

- Entrez un nom de paramètre calculé dans le champ intitulé : **Paramètre**.
- Sélectionnez la boîte des paramètres calculés en pressant le bouton-radio intitulé : **Paramètres calculés**.
- Le bouton **Créer** devient actif, pressez le.

Vous devez ensuite sélectionner ce nouveau paramètre calculé et presser le bouton **Calcul** pour lui affecter une formule. Vous pouvez entrer un **Mot de passe** pour éviter que le paramétrage soit modifié.

Boite de saisie de formules

Formule pour : HEPASCORE ✕

Formule : Protéger la formule

$$\frac{\text{EXP}([-4.185818-(0.0249*\text{AgeAns})+(0.7464*\text{SexeM1})+(1.0039*\text{A2MG})+(0.0302*\text{HYALU})+(0.0691*\text{BILT1})-(0.0012*\text{GGT})])}{1+\text{EXP}([-4.185818-(0.0249*\text{AgeAns})+(0.7464*\text{SexeM1})+(1.0039*\text{A2MG})+(0.0302*\text{HYALU})+(0.0691*\text{BILT1})-(0.0012*\text{GGT})])}$$

Si, alors : Ex : RESULTAT<0;2|PARAM1<4;4
(Si on obtient un résultat négatif, on le remplace par 2. Si PARAM1<4, on le remplace par 4)

Ne pas afficher si : Ex : PARAM1>2 (Si la valeur du paramètre est supérieure à 2 on ne l'affiche pas)

Nom donné au calcul sur le graphique :

Unité :

Paramètres

- A2MG
- HYALU
- GGT
- BILT1
- PLAQ
- TGO
- CHOL
- TGP
- SexeM1
- SexeM0
- AgeAns
- LOG
- LGN
- EXP
- SQR

Correspondance METAVIR :

Fibre :	Activité :
F0 : 0.13	A0 :
F1 : 0.26	A1 :
F2 : 0.50	A2 :
F3 : 0.65	A3 :
F4 : 0.85	

Ordonnées graphiques

Maximum : 1

Minimum : 0

Divisions : 10

[? Aide](#)

Ok

Abandon

Définition de zones

Désignation :	Minimum :	Maximum :

Lorsque l'on a choisi de créer un profil comportant des paramètres calculés, la boîte de saisie des formules est proposée. Elle comporte :

- Un champ de saisie de la formule proprement dite.
- Un champ pour forcer la valeur du résultat ou d'un analyte si une condition est vérifiée
- Un champ pour invalider le calcul si une condition est vérifiée.
- Un champ de saisie des unités.
- Une liste des paramètres entrés.

Si l'on souhaite créer une formule pour un résultat qui apparaîtra sous condition dans les commentaires, il y a lieu de saisir la condition dans le champ intitulé : **Ne pas afficher si**.

On pourra forcer la valeur du résultat ou des analytes en renseignant le champ **Si;alors** comme dans l'exemple suivant : **PLAQ>300 ;300/TGO>25 ;25**

Dans cet exemple, le logiciel forcera PLAQ à 300 lorsqu'il dépasse 300 et TGO à 25 lorsqu'il dépasse 25. A noter que la barre verticale '|' sépare deux items.

Condition pour ne pas afficher un résultat dans les commentaires

La condition est vérifiée par la comparaison de deux formules.
Les formules doivent être séparées par l'un des signes suivants :

- = égal
- < inférieur
- <= inférieur ou égal
- > supérieur
- >= supérieur ou égal
- <> différent

De telle sorte que le champ de saisie contienne par exemple :

Résultat_Formule1<>Résultat_Formule2

ou

Résultat_Formule1<1

ou

Résultat_Formule1>=250

Remarque :

Si la condition est vérifiée, le résultat n'est pas affiché.

Saisie de formules

Lorsque l'on a choisi de créer un profil comportant des paramètres calculés, il y a lieu d'indiquer à l'aide d'une formule mathématique, la relation entre le paramètre calculé, et le ou les résultats des paramètres connus (entrés).

Cliquez sur un paramètre de la liste pour qu'il apparaisse dans le champ de saisie de la formule.

Exemple :

Pour entrer la formule suivante : “ (PARAM1*PARAM2)/PARAM3 ”

1. ouvrez une (
2. cliquez sur PARAM1
3. pressez *
4. cliquez sur PARAM2
5. fermez la)
6. pressez /
7. cliquez sur PARAM3

Remarque :

Chaque opération élémentaire de la formule doit figurer entre parenthèses.

Cette formule sera utilisée pour déduire les normales du paramètre calculé en effectuant le calcul sur les normales de(s) paramètre(s) entré(s).

La coche : protéger la formule lorsqu'elle est mise, empêche la traçabilité du calcul accessible à partir de la fenêtre de visualisation.

La notation : PARAM1% indique que l'on utilise non pas la concentration mais le pourcentage de la médiane définie dans les valeurs normales.

Erreur dans la formule

Hepato System a vérifié la formule en appliquant le calcul sur les valeurs de références.

Une erreur est apparue qui peut avoir pour origine, une des raisons suivantes :

- Défaut de parité entre les parenthèses ouvrantes et fermantes.
- Division par zéro.
- Nom d'un paramètre mal orthographié.

Corrigez l'erreur, puis validez à nouveau la fenêtre de création des profils.

Fenêtre Définition des tranches d'âge



Cette fenêtre est accessible à partir de la fenêtre : Création/**Modification de profil** en pressant le bouton : **Agés**.

Lorsque qu'une définition des tranches d'âge a déjà été faite, le logiciel donne un avertissement indiquant que les normales déjà enregistrées seront perdues.

Pour valider les saisies sur cette fenêtre pressez le bouton **Ok**.
Pressez le bouton **Annuler** si vous renoncez à enregistrer les saisies.

Le bouton **Effacer** annule toutes les tranches déjà saisies.
Le logiciel permet de définir jusqu'à 40 tranches d'âge.

Pour l'instant les données entrées dans cette fenêtre ne sont pas utilisées par le logiciel. Pour s'affranchir d'une saisie fastidieuse, faire immédiatement **Ok**, le logiciel crée alors une tranche unique de 0 jours à 115 ans.

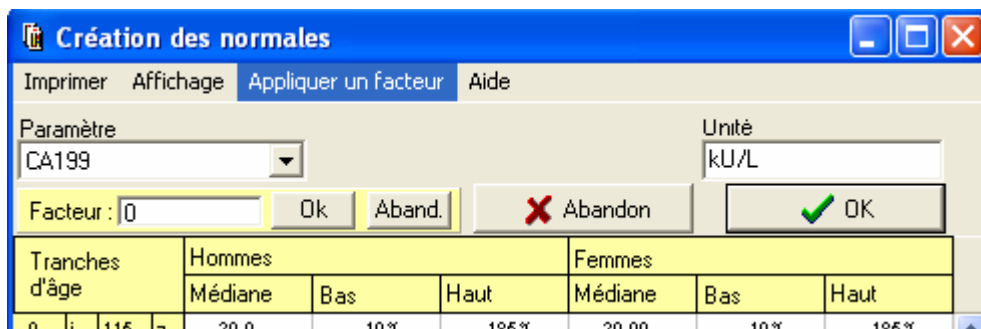
Vous devez créer des tranches en ordre croissant. La première tranche débute à zéro jour.

Pour chaque tranche à créer, indiquez uniquement la borne supérieure dans le champ : **à** et cochez **Jours**, **Mois** ou **Année** selon le cas. Cliquez ensuite sur le compteur de manière à l'incrémenter. La borne supérieure de la tranche précédente devient la borne inférieure de la tranche actuelle.

La dernière tranche créée sera arbitrairement extrapolée par le logiciel à 115 ans.

Fenêtre Création des normales

Vous accédez à cette fenêtre à partir de la fenêtre : **Gestion des profils** en pressant le bouton : **Normales** ou à partir de la fenêtre : **Création modification de profils** en pressant le bouton **Normales**.



Pour valider les saisies sur cette fenêtre pressez le bouton **Ok**.

Pressez le bouton **Abandon** si vous renoncez à enregistrer les saisies.

Elle présente un tableau de saisie des valeurs normales.

Pour une tranche d'âge donnée et pour chaque sexe, figure un emplacement pour la médiane, et pour les écarts considérés comme normaux par rapport à cette médiane.

Ces écarts peuvent être présentés et édités en **Pourcentage** de la médiane ou en **Concentration** selon ce que vous aurez choisi dans l'option du menu : **Affichage**.

Dans la liste : **Paramètre** sélectionner celui que vous souhaitez traiter.

Renseignez le champ **Unité**.

Lorsque vous souhaitez changer l'unité, vous pouvez demander au logiciel d'**Appliquer un facteur** automatiquement aux données présentées. Le champ **Facteur** apparaît alors, entrez-y la valeur du facteur puis pressez **Ok** pour lancer le calcul.

Pressez **Imprimer** pour avoir une sortie papier du tableau.

Pour l'instant les données entrées dans cette fenêtre ne sont pas toutes utilisées par le logiciel. Pour s'affranchir d'une saisie fastidieuse, faire **Ok** après avoir entré l'unité.

Fenêtre en-tête du laboratoire

Gestion de l'en-tête

Etablissement
Gentiane Informatique

Service
Service développement

Adresse
17, Chemin Prébois

Adresse
38660 St Hilaire du Touvet

Biologistes : Entrez les noms séparés par des point-virgules [E]
Dr Docteur1;Dr Docteur2

Logo
C:\applibcp\IBCinetic\Image2.bmp

Etirer l'image à la taille du rectangle

Emplacement du logo sur le graphique
 Gauche Centre Droite

Gentiane Informatique SARL
Centre FRS Laguer
38660 St Hilaire du Touvet
Télé: 04 78 88 27 86

? Aide Logo Fermer

Vous disposez de quatre lignes de texte libre pour saisir l'en-tête du laboratoire. Ces données apparaîtront au dessus du graphique sur le document définitif.

Entrez la liste des **Biologistes**, séparés par des points-virgules. Le logiciel vous proposera de choisir celui qui est responsable du patient dans la fenêtre : **Préparation du graphique.**

Entrez dans le champ **Logo** l'emplacement du fichier graphique qui sera utilisé comme logo du laboratoire dans l'en-tête.

Le bouton **Logo** ouvre une fenêtre de recherche de fichier graphique.

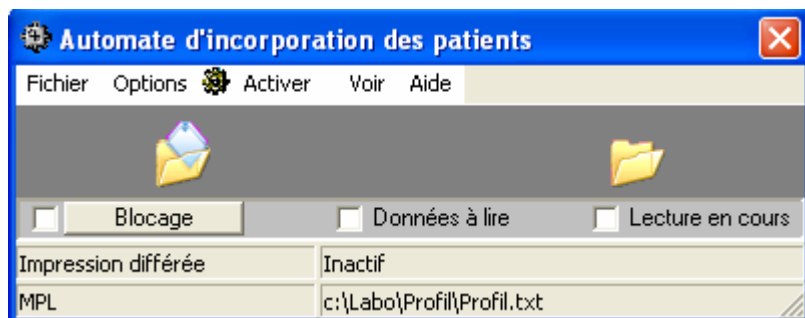
Cochez Etirer l'image pour adapter le logo à la hauteur de l'en-tête.

Choisissez ensuite son **Emplacement** en cochant l'une des trois options proposées.

Une représentation miniature de l'en-tête est affichée au bas de la fenêtre.

Utilisation en mode connecté

Le mode connecté est conféré par l'utilisation d'une application additionnelle chargée de réaliser automatiquement l'incorporation des données des patients dans la base de données, et éventuellement d'imprimer les graphiques sans intervention de l'utilisateur. Cette application est constituée d'un programme livré dans la version connectée.



Sa mise en service nécessite, elle aussi un code de débridage. Voir plus haut la procédure d'installation.

Ce programme peut :

- examiner en permanence la présence d'un fichier dont le nom, l'emplacement et le format ont été définis avec le fournisseur d'une informatique tierce. Les données patients y sont lues, intégrées à la base de données patient de Hepato System, puis le fichier est supprimé.
- Envoyer directement une requête au système d'information du laboratoire (SIL).

Lancement de l'application

A partir du menu de la fenêtre principale de Hepato System, faire : **Option/Lancer l'automate**.

Une fenêtre intitulée Automate d'incorporation des patient apparaît alors.

Définition des paramètres de connexion

1 Lecture d'un fichier d'échange

Interlocuteur

L'interlocuteur est le nom de l'informatique tierce qui met à disposition de l'automate les données des patients.

Il a été établi un protocole de communication avec plusieurs sociétés d'informatique, dont la liste figure dans le menu sous le choix : **Options/Interlocuteur**.

Il s'agit pour l'utilisateur de cocher dans cette liste, le nom de l'interlocuteur qui fournit les données des patients.

Fichier d'échange

Par le menu, en faisant **Options/Fichier d'échange**, l'utilisateur définit en accord avec la société qui fournit les données, le nom et le chemin du fichier qui les contient.

Fichier de blocage

Par le menu, en faisant **Options/Fichier de blocage**, l'utilisateur définit en accord avec la société qui fournit les données, le nom et le chemin du fichier de blocage.

Le fichier de blocage sert de témoin d'utilisation du fichier d'échange, pour éviter les conflits sur celui-ci. L'existence du fichier de blocage indique que le fichier d'échange est en cours d'utilisation.

Lorsqu'une application veut intervenir sur le fichier d'échange, elle doit attendre que le fichier de blocage soit absent. Dès que c'est le cas, elle le crée pour empêcher la deuxième application de l'utiliser. Elle le supprime lorsqu'elle a terminé.

Fichier d'échange et fichier de blocage ne doivent pas être homonymes.

Exigences de paramétrage pour une bonne connexion

Code affiché	Code reçu	Facteur
ACE	ACE	
HCG	HCG	
AFP	AFP	
CA125	CA125	
CA153	CA153	
CA199	CA199	
PCT	PCT	
NSE	NSE	
ANTITG	ANTITG	
PSA	PSA	
AFPHORSICR	AFPHORSICR	
PSAHORSICR	PSAHORSICR	

Aide Abandon OK

L'automate pour pouvoir interpréter correctement le fichier d'échange, doit reconnaître l'orthographe du nom des analytes.

Cela suppose que l'orthographe des analytes est la même sur Hepato System et chez l'interlocuteur. Voir plus haut la rubrique création de profils ou l'aide en ligne du logiciel.

Il vous est possible de faire correspondre la désignation des analytes utilisés dans Hepato System avec celle obtenue dans le fichier d'échange ou la requête en utilisant la table de correspondance ci-contre.

Celle-ci est accessible en faisant :

Options/Table de correspondance.

La table de correspondance vous permet en outre si nécessaire d'appliquer un facteur au résultat reçu.

2 Requête directe au SIL

Interlocuteur

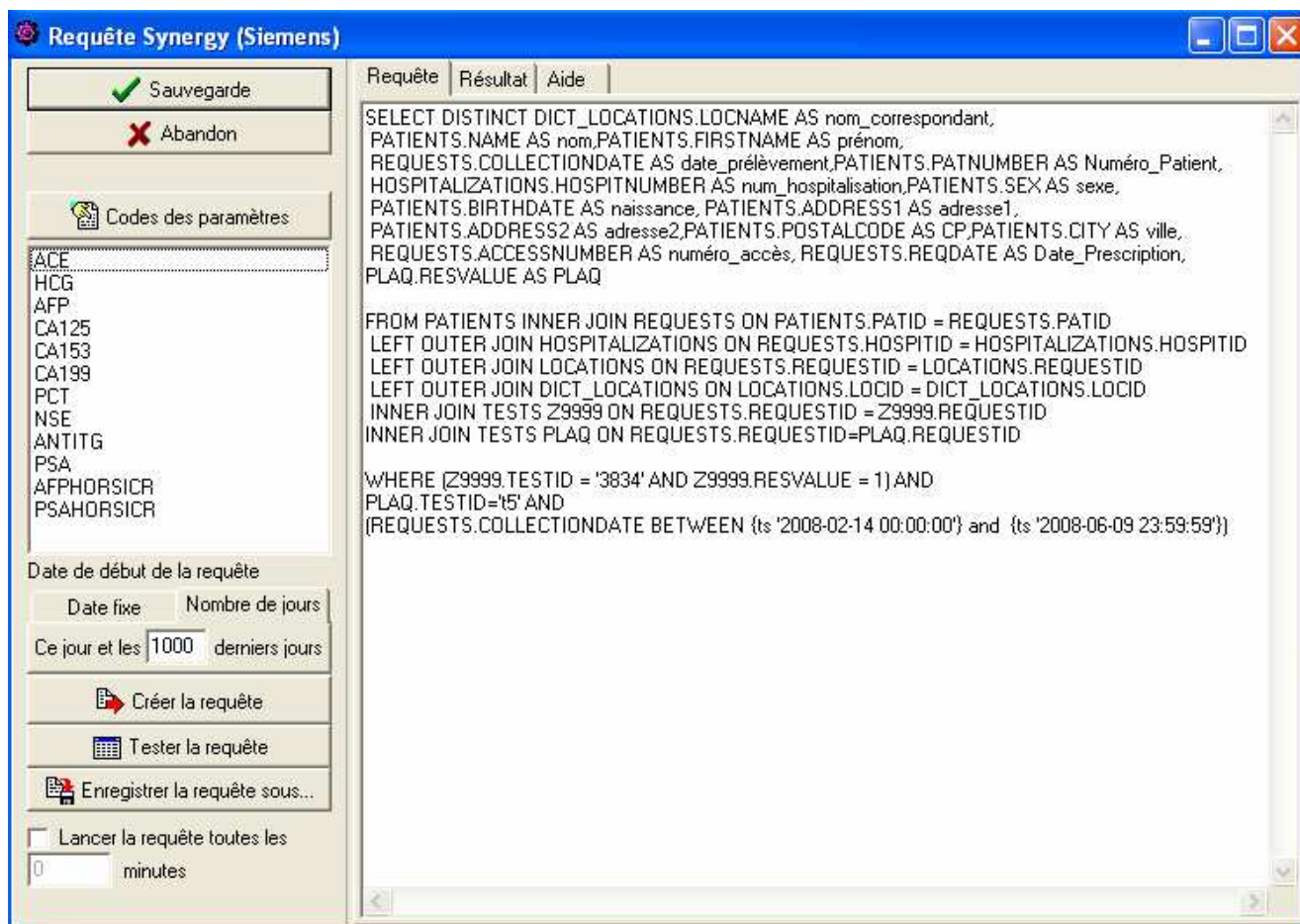
Choisissez l'interlocuteur comme dans le cas précédent.

Requête

Comme la requête est spécifique de l'interlocuteur, chaque interlocuteur procédant par requête possède une fenêtre de définition de requête spécifique.

Pressez **Alt V** pour accéder au paramètres de connexion à la base de données. Utilisez **Enregistrer et tester la connexion** pour la vérifier. Une fois la connexion établie, suivez les instructions figurant dans l'onglet **Aide**.

Si l'orthographe des analytes utilisée par Hepato System ne correspond pas à celle utilisée dans la base de données cliquez sur le bouton : **Table de correspondance** (Voir plus haut).



Mode classique

L'automate ne prendra en compte que les patients pour lesquels il aura reconnu suffisamment de données pour constituer un profil.

Dans la liste des profils créés dans Hepato System, il cherchera à utiliser le plus important possible (celui contenant le plus d'analytes) avec les données qui lui sont transmises.

Mode profil à la CARTE

Ce fonctionnement suppose que vous avez créé un profil nommé « MATRICE » contenant tous les analystes dont vous souhaitez récupérer les résultats.

Dans ce mode, le logiciel récupèrera tous les résultats du patients pour peu que les analytes appartiennent au profil MATRICE, et cela même si certains analytes du profil MATRICE sont absents.

Pour activer le profil à la MATRICE, cliquez sur : **Options/Profil à la MATRICE**. La fenêtre suivante apparaît.



Lorsque **Toujours** est coché, le logiciel conservera au patient un profil MATRICE, même si les résultats collationnés permettent de proposer un autre profil.

Lorsque **Si données patient incomplètes** est coché, le logiciel tente, à chaque fois qu'il récupère un résultat, d'attribuer au patient un profil comme en mode classique.

Conserver le profil des patient préexistant

Lorsqu'un patient existe déjà dans la base de données, les résultats d'un nouveau prélèvement y sont ajouté. Si ces résultats ne correspondent pas au profil (si les analytes ne sont pas les mêmes), celui-ci est modifié par le logiciel. Ce fonctionnement peut être modifié pour toujours conserver le même profil au patient. Cocher cette option.

Déplacer les données après lecture

Lorsque plusieurs application Gentiane coexistent, elles peuvent avoir la même source de données patient. Chaque application doit supprimer le fichier de données après lecture. Une copie préalable peut en être faite. Cliquez cette option et indiquez le chemin de sauvegarde de la copie au logiciel.

Sauvegarder les options

Faire **Options/Sauvegarder les options** pour mémoriser ce paramétrage.

Table des matières

GENERALITES	2
INSTALLATION.....	3
MISE EN OEUVRE	3
<i>Installer Interbase.....</i>	3
<i>Installer Hepato System.....</i>	4
PREMIER DEMARRAGE	4
LA FENETRE PRINCIPALE	5
LE SOUS-MENU FICHER.....	5
LE SOUS-MENU PATIENTS	6
LE SOUS-MENU PROFILS	6
LE SOUS-MENU OPTIONS	6
LE SOUS-MENU AIDE	6
LES BOUTONS	7
FENETRE LISTE DES PATIENTS	7
LES BOUTONS	8
LES ONGLETS.....	8
LES CLICKS.....	8
FENETRE DE SAISIE DES DONNEES PATIENT	9
FENETRE APERÇU DU PROFIL	10
LE SOUS-MENU FICHER.....	11
LE SOUS MENU VUE.....	11
LE SOUS-MENU ANTERIORITES	11
LE SOUS-MENU COMMENTAIRE.....	12
LE SOUS-MENU AIDE.....	12
LES BOUTONS	12
LES CLICS	12
FENETRE OPTIONS JPG/PDF	ERREUR ! SIGNET NON DEFINI.
LA FENETRE EDITEUR.....	13
LA FENETRE GESTION DE LA LISTE DES PATIENTS.....	14
OPERATIONS PONCTUELLES	14
OPERATIONS PROGRAMMEES.....	15
SAUVEGARDE EN L'ETAT DE LA BASE DE DONNEES	15
FENETRE UTILISATION DES SAUVEGARDES	15
FENETRE DE GESTION DES CONTEXTES.....	17
LES CHAMPS : VALEUR HAUTE ET VALEUR BASSE.....	17
LE MENU, LES BOUTONS	18
FENETRE DE GESTION DES PROFILS	19
CREATION D'UN PROFIL.....	19
MODIFICATION D'UN PROFIL	19
SUPPRESSION D'UN PROFIL	19
FENETRE CREATION /MODIFICATION DE PROFIL	20
BOITE DE SAISIE DE FORMULES	21
FENETRE DEFINITION DES TRANCHES D'AGE.....	23
FENETRE CREATION DES NORMALES	23
FENETRE EN-TETE DU LABORATOIRE	24
UTILISATION EN MODE CONNECTE	25

LANCEMENT DE L'APPLICATION	25
DEFINITION DES PARAMETRES DE CONNEXION	25
1 Lecture d'un fichier d'échange.....	25
2 Requête directe au SIL.....	27
Mode classique	27
Mode profil à la CARTE.....	28
Conserver le profil des patient préexistant.....	28
Déplacer les données après lecture	28
Sauvegarder les options.....	28